

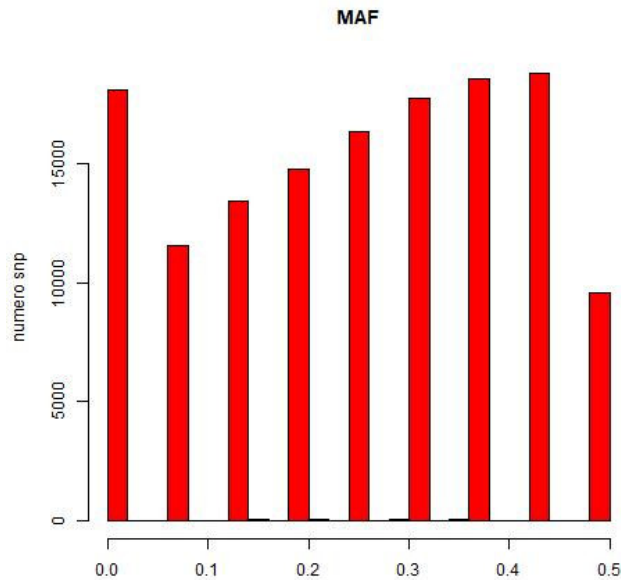
AZIONE 2 – 4° IOV: PUBBLICAZIONE DATI DI STATISTICA DESCRITTIVA RISPETTO AI CARATTERI RILEVATI PER LE RAB

STATISTICHE DESCRITTIVE INERENTI LA GENOTIPIZZAZIONE IN SOGGETTI DI RAZZA CABANNINA NELL'AMBITO DEL PROGETTO DUAL BREEDING

Di seguito vengono riportate alcune statistiche di sintesi inerenti le analisi genomiche effettuate su 8 soggetti di razza Cabannina.

1. Minor Allele Frequency (MAF): Identifica l'allele con minor frequenza tra tutti i marcatori analizzati.

Media	Mediana	Min.	Max.	SNP mancanti
0.250	0.250	0.000	0.500	252



2. CALL RATE (SNP): Indica con che percentuale sono mediamente presenti gli SNP esaminati.

Media	Mediana	Min.	Max.
0.998	1.000	0.000	1.000

Numero di SNP (n=10) con Call rate sotto al 90%.

Call rate	SNPname
0.857	ARS-BFGL-BAC-28908
0.875	ARS-BFGL-NGS-42675
0.875	ARS-BFGL-NGS-43021
0.875	ARS-BFGL-NGS-53420
0.875	BovineHD2300007588
0.750	BovineHD2300014703
0.875	BovineHD2300014778
0.875	BTA-114884-no-rs
0.875	BTB-00869387
0.875	Hapmap55007-rs29021986

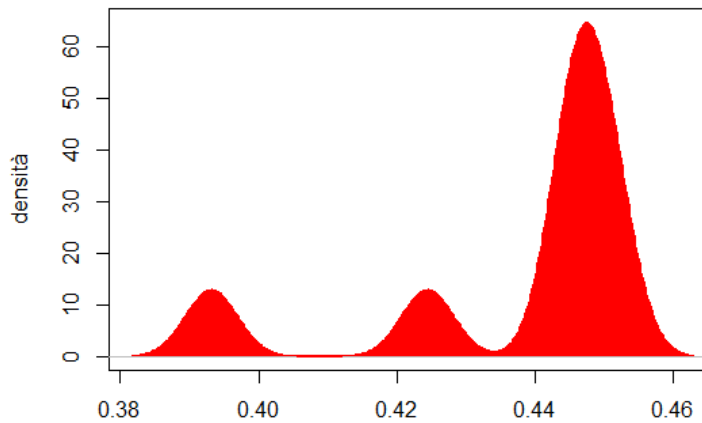
3. CALL RATE (ANIMAL): Indica con che percentuale sono mediamente presenti gli SNP esaminati per ogni animale su cui è stata fatta l'analisi genomica.

Call rate Animale Medio
0.997

4. ETEROZIGOSI: Percentuale di alleli SNP eterozigoti (ovvero tra loro diversi, tipo GA, GT, etc.)

Media	Mediana	Min.	Max.
0.438	0.446	0.393	0.451

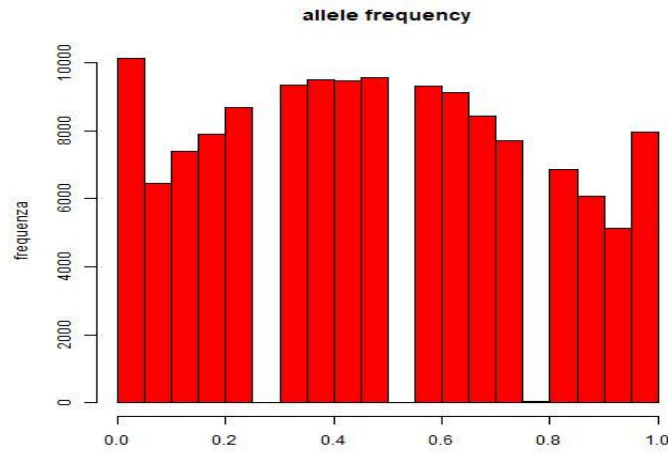
heterozigosis



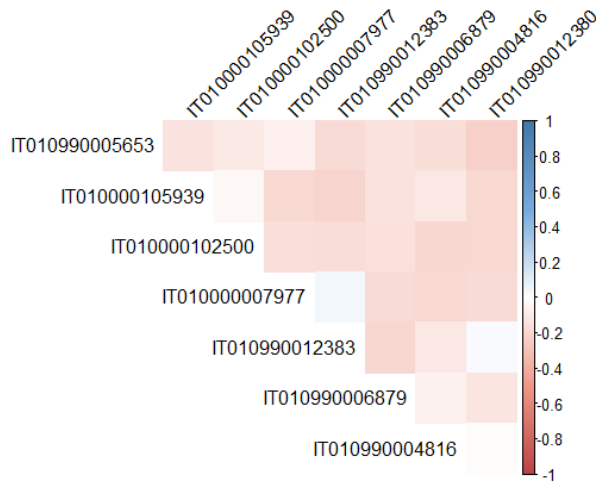
Animale	Call rate	Eterozigosi
IT010000007977	0.990	0.450
IT010000105939	0.996	0.445
IT010000102500	0.997	0.445
IT010990006879	0.996	0.448
IT010990012383	0.997	0.451
IT010990004816	0.997	0.446
IT010990012380	0.997	0.393
IT010990005653	0.997	0.424

5. ALLELE FREQUENCY: Identifica la frequenza media di entrambi gli alleli di uno stesso locus. La percentuale di locus con un solo allele è risultata pari al 17%.

Media	Mediana	Min.	Max.	NA's
0.500	0.4788	0.000	1.000	252



6. PARENTELA GENOMICA: Parentela calcolata sulla base dei marcatori SNP comuni tra i soggetti testati (n=8). Valori tendenti al Blu indicano elevato legame di parentela, tendenti al Rosso scarso legame di parentela.



7. INBREEDING GENOMICO: Livello di inbreeding o consanguineità desunta dalla parentela genomica: I valori <1 indicano basso grado di inbreeding (omozigosi). L'esempio riporta il numero totale di soggetti su cui è stato calcolato l'inbreeding genomico (n=8).

Animale	Inbreeding Genomico
IT010000007977	0.898
IT010000105939	0.992
IT010000102500	0.970
IT010990006879	0.972
IT010990012383	0.790
IT010990004816	0.859
IT010990012380	0.879
IT010990005653	1.013