

Tabella 1: Attività complessiva di caratterizzazione genetica prodotta dal progetto DUALBREEDING, differenziata per singola razza e per tipologia di chip.

Razza	33 k	54 k	150 k	Sequenza	Totale
Pezzata Rossa Italiana	172	5268	83		5523
Valdostana	2044		899		2943
Grigio Alpina	749		292		1041
Rendena	1051		283		1334
Reggiana			1822		1822
Agerolese			21		21
Burlina			92		92
Cabannina			50		50
Cinisara			335		335
Garfagnina			68		68
Modenese			345		345
Modicana			308		308
Pezzata Rossa d'Oropa	820				820
Pinzgauer		788	112	3	903
Pustertaler Sprinzen/Barà			343		343
Varzese			39		39
Totale	4836	6056	5092	3	15987

Tabella 2: Chip utilizzati nel progetto Dual Breeding.

Abbreviazione	Nome esteso	Laboratorio
33 k	GeneSeek® Genomic Profiler™ Bovine LDv4	AGROTIS
54 k	Illumina® BovineSNP50 Custom for Simmental	GENECONTROL
150 k	GeneSeek® Genomic Profiler™ Bovine HDv3	AGROTIS
Sequenza	Whole genome sequencing (WGS)	NOVOGENE